



FOTOGALLERY SALUTE E BENESSERE

Covid, in Veneto nuova sotto-variante di Omicron diversa da XE e XJ: cosa sappiamo

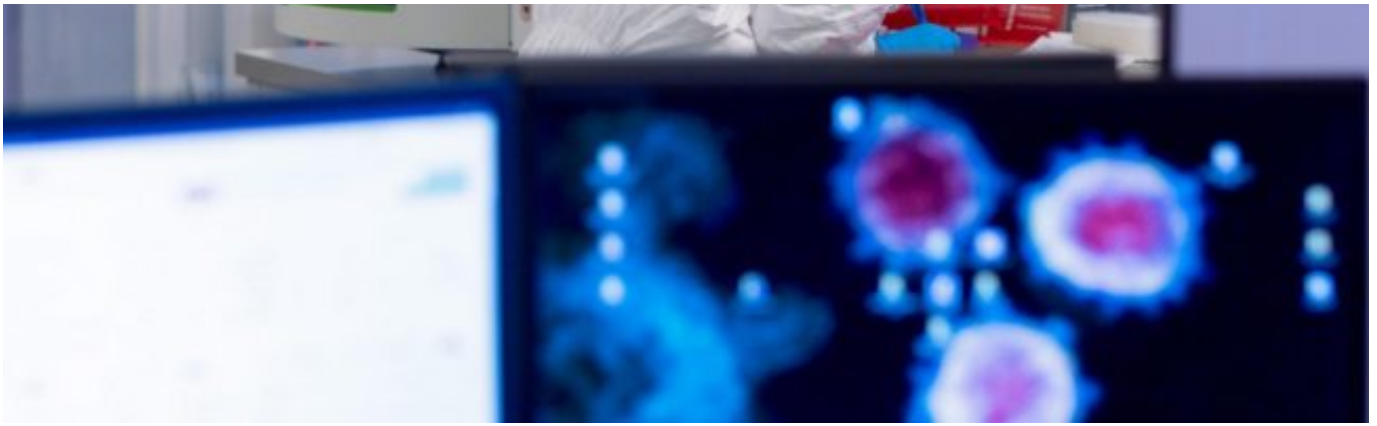
21 apr 2022 - 06:30 10 foto

Ansa/Ipa

Il ricombinante è stato sequenziato dal Laboratorio di genetica, citogenetica e diagnostica molecolare dell'Ospedale dell'Angelo di Mestre. È diverso dagli altri per alcune mutazioni caratteristiche: comprende porzioni di BA.1 e BA.2 ma con porzioni diverse del genoma. L'Istituto Zooprofilattico Sperimentale: "Non si conoscono le caratteristiche fenotipiche, ad oggi è stato caratterizzato solo geneticamente"

CONDIVIDI



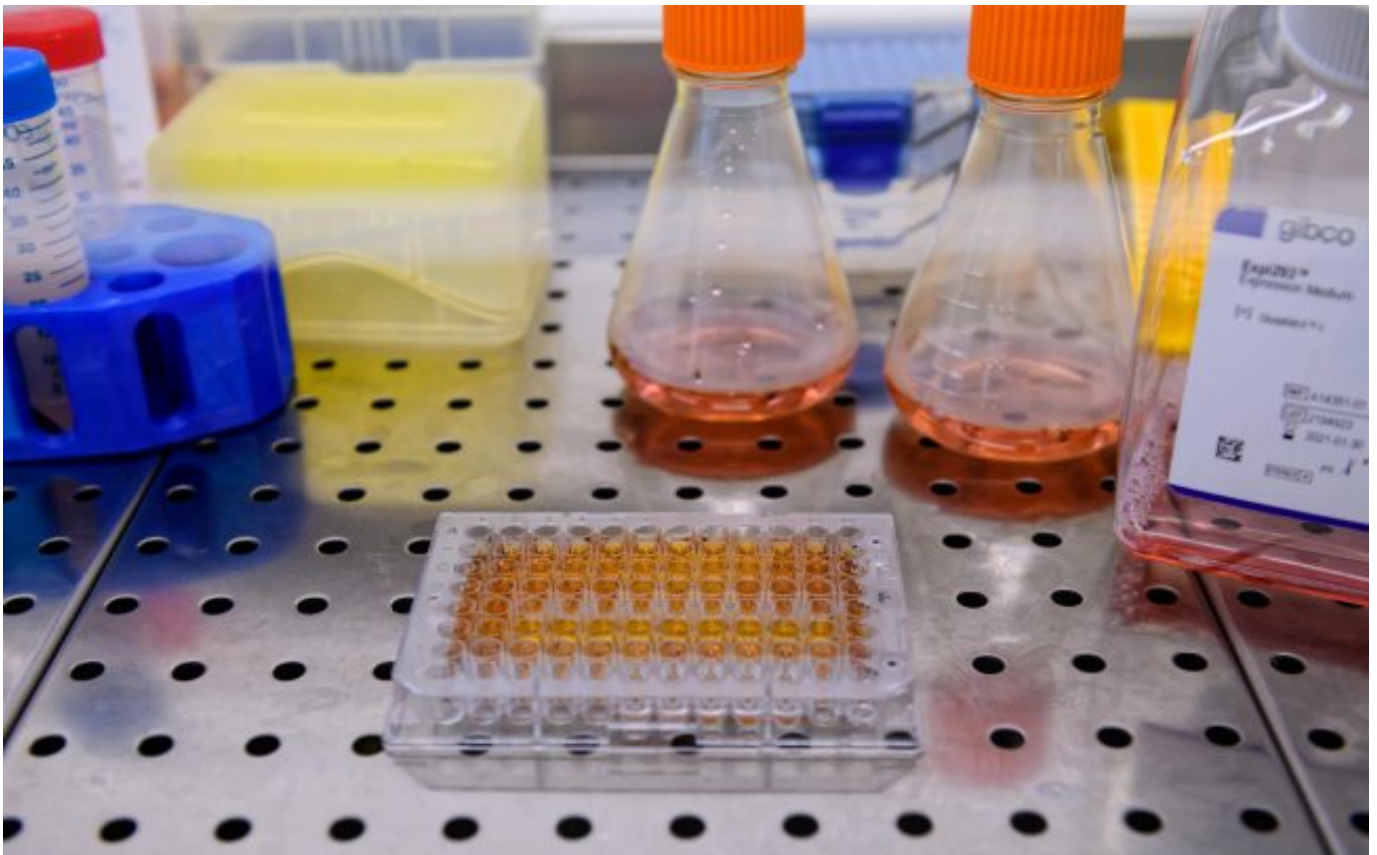


1/10

©Ansa

È stato sequenziato in Veneto un nuovo ricombinante della variante Omicron del coronavirus, diverso da XE e XJ

[GUARDA IL VIDEO: Vaccino covid e reazioni avverse: i dati Aifa](#)



2/10

©Ansa

È il primo identificato in Veneto e comprende porzioni delle sotto-varianti di Omicron BA.1 e BA.2, ma con porzioni diverse del genoma

[Covid, Moderna: candidato vaccino efficace contro la variante Omicron](#)





3/10

©LaPresse

Il virus è stato sequenziato dal Laboratorio di genetica, citogenetica e diagnostica molecolare dell'Ospedale dell'Angelo di Mestre (Venezia). Lo ha reso noto l'Istituto Zooprofilattico Sperimentale delle Venezie, nell'ambito della sorveglianza coordinata dall'Istituto Superiore di Sanità

[Vaccino Covid, ipotesi quarta dose anti-varianti in autunno agli over 50: cosa sappiamo](#)

PUBBLICITÀ



4/10

©Ansa

Prelevato da un paziente veneziano a marzo, è simile ai ricombinanti XJ identificati inizialmente nel nord Europa, ma è differente per alcune mutazioni caratteristiche

[Covid: sequenziata in Italia la variante Xf, mix di Delta e Omicron](#)





5/10

©IPA/Fotogramma

Si distingue anche dalla variante XE, responsabile di più di mille casi nel Regno Unito

[Covid19, variante Xe: dai sintomi alla contagiosità, cosa sappiamo](#)



6/10

©IPA/Fotogramma

Dopo questa prima identificazione, a inizio aprile sono stati rilevati altri due casi ascrivibili allo stesso virus nelle province di Venezia e Padova

PUBBLICITÀ





7/10

©Ansa

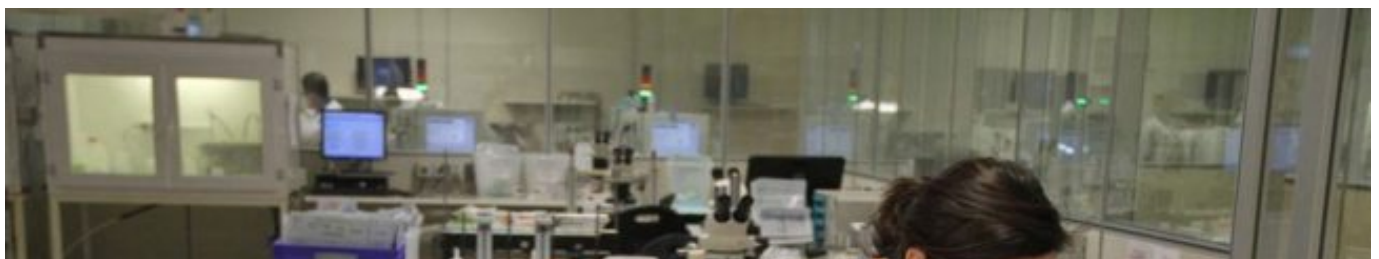
Nel ricombinante sequenziato in Veneto, la prima metà circa del genoma appartiene alla variante BA.1 e la seconda alla BA.2



8/10

©IPA/Fotogramma

Nella variante XE, invece, la porzione BA.2 è più estesa e rappresenta circa il 60% del genoma



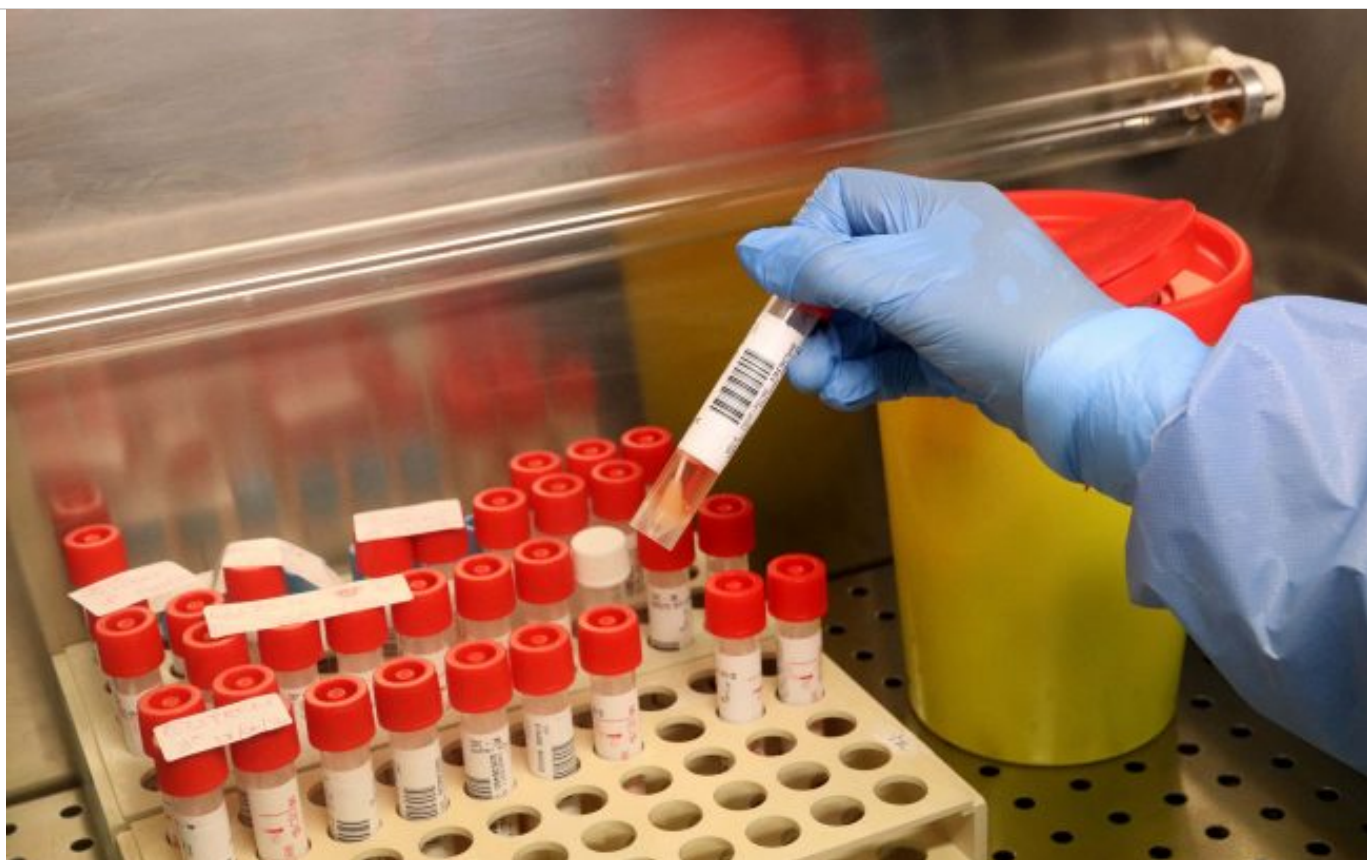


9/10

©Ansa

"Non si conoscono - sottolinea lo Zooprofilattico - le caratteristiche fenotipiche del ricombinante identificato in Veneto perché ad oggi è stato caratterizzato solo geneticamente"

PUBBLICITÀ



10/10

©IPA/Fotogramma

"La continua sorveglianza genetica sarà strategica per capire l'eventuale diffusione del virus sul territorio regionale", aggiunge l'Istituto Zooprofilattico