



## Influenza aviaria, aumenta la diffusione anche in Italia. L'Istituto zooprofilattico: «Alzare attenzione verso mammiferi»

*Le autorità sanitarie internazionali premono per innalzare il livello di allerta sull'arrivo di una nuova pandemia di influenza nella popolazione umana sostenuta da un virus di origine aviare*



6 Minuti di Lettura

Venerdì 17 Febbraio 2023, 13:43 - Ultimo aggiornamento: 14:05

Aumenta la diffusione dell'**influenza aviaria** anche in Italia. Sale dunque la circolazione del **virus H5N1** dell'**influenza aviaria** fra gli uccelli selvatici, con il rischio che questi possano trasmettere il virus agli allevamenti avicoli. Emerge dai dati del **Centro di referenza nazionale ed europeo per l'influenza aviaria presso l'Istituto Zooprofilattico Sperimentale delle Venezie (IZSVe)**. Il ministero della Salute ha diramato pochi giorni fa una nota in cui ravvisa la necessità, afferma l'IZSVe, di **rafforzare la sorveglianza dei volatili selvatici** e l'applicazione delle **misure di biosicurezza negli allevamenti avicoli**.

### APPROFONDIMENTI



**SALUTE**  
Foto



**IL CASO**  
Influenza aviaria

Con l'aumento dei casi negli uccelli selvatici, **cresce l'attenzione anche verso i mammiferi**. Dopo gli eventi di spillover - ovvero di salto di specie - **in visoni allevati cresce infatti l'attenzione delle autorità sanitarie verso mutazioni del virus H5N1 che potrebbero favorirne il passaggio ai mammiferi e all'uomo**, sottolinea l'IZSVe.

L'evoluzione della situazione dell'influenza aviaria a livello globale negli ultimi mesi ha sollevato una certa preoccupazione fra la comunità scientifica internazionale. Dopo i casi confermati di trasmissione del virus H5N1 ad alta patogenicità (HPAI) dagli **uccelli** in alcune specie di mammiferi, l'Organizzazione Mondiale della Sanità (Oms) e l'Organizzazione Mondiale della Sanità Animale (Woah) hanno invitato tutti i paesi ad innalzare il livello di allerta sull'arrivo di una **nuova pandemia di influenza nella popolazione umana** sostenuta da un virus di origine aviaria.

**Influenza aviaria, il salto di specie: ecco perché gli scienziati temono il passaggio all'uomo**

**Influenza aviaria, allarme in Europa: in Francia soppresso un milione di polli, paura in Spagna**

**Influenza aviaria, allarme in Europa per ondata record: l'Italia è il secondo Paese per allevamenti infetti**

## **Perché si alza l'attenzione**

Dopo gli eventi di spillover in visoni allevati cresce l'attenzione delle autorità sanitarie verso mutazioni del virus H5N1 che potrebbero favorirne il passaggio ai mammiferi e all'uomo. È il monito su cui l'Istituto zooprofilattico invita a prestare molta attenzione. Ma perché? Quali rischi si corrono?

«La diffusione del **ceppo H5N1 HPAI** fra gli uccelli selvatici è in aumento, in Italia come nel resto del mondo – dichiara **Calogero Terregino**, direttore del Centro di riferimento per l'influenza aviaria – Nel nostro paese, i casi di H5N1 HPAI nell'avifauna interessano principalmente **Veneto, Lombardia, Emilia Romagna e Friuli Venezia Giulia**. Il ministero della Salute ha evidenziato come tale situazione costituisca un rischio costante per gli allevamenti di volatili domestici, considerato che alcune zone ad elevata densità avicola coincidono con le aree dove attualmente si rilevano casi di HPAI nei selvatici. Come Centro di riferimento stiamo monitorando l'evoluzione dell'epidemia su tutto il territorio nazionale **con estrema attenzione, per evitare che si verifichi una situazione come nell'inverno 2021-2022**».

## **La situazione in Italia**

Negli uccelli selvatici a partire **da settembre 2022** sono stati ufficialmente confermati **79 casi di positività fra gabbiani (19), alzavole (13), germani (10) e in altri esemplari di rapaci e anatidi**. Molti altri casi sospetti nei gabbiani sono in corso di conferma presso l'IZSVe. Il persistere di casi nei selvatici evidenzia la continua circolazione di H5N1 sul territorio italiano in linea con quanto sta avvenendo in altri paesi europei ed extra europei in cui si registra un aumento di casi anche nel pollame e nei mammiferi selvatici, e in cui sono stati segnalati anche sporadici casi in mammiferi domestici.

Negli uccelli domestici la situazione è più favorevole, dopo la drammatica ondata epidemica di H5N1 HPAI che ha investito prevalentemente **il nord est nell'inverno 2021-2022, con 317 focolai negli allevamenti**. L'ultimo focolaio nel pollame risale infatti al 23 dicembre 2022, portando a 30 il numero dei casi confermati da settembre 2022. **I focolai sono stati riscontrati principalmente in Veneto, Lombardia ed Emilia Romagna.**

«La situazione negli allevamenti è migliorata rispetto a un anno fa – afferma Terregino – grazie anche all'intenso lavoro portato avanti dal ministero della Salute in collaborazione con le Regioni e le Asl coinvolte, il Centro di referenza nazionale per l'influenza aviaria e i rappresentanti del mondo produttivo. La collaborazione fra le parti ha permesso di affrontare e migliorare le principali criticità riscontrate, rafforzando in particolare la sorveglianza negli uccelli selvatici e rendendo più efficaci le strategie di prevenzione e la gestione dei focolai negli allevamenti».

### **Il rischio di trasmissione nei mammiferi**

In Italia non sono stati registrati casi tra i mammiferi, tuttavia sono previste attività di monitoraggio anche in queste specie, in particolare **nelle aree umide frequentate da uccelli selvatici potenzialmente infetti**.

Il virus H5N1, come molti altri i virus respiratori, è molto plastico e **il suo tasso di mutazione genetica è piuttosto elevato**. Alcuni ceppi del virus H5N1 attualmente circolanti fra gli uccelli hanno mostrato mutazioni considerate **segni di adattamento ai mammiferi**. Alcuni animali, come i visoni, potrebbero consentire il riassortimento genetico di diversi virus influenzali, da cui possono emergere **varianti virali più pericolose per gli animali e l'uomo**. Sono attualmente in corso presso i laboratori del Centro di referenza per l'influenza aviaria dell'IZSVE studi per approfondire le caratteristiche genetiche e biologiche del ceppo identificato nei visoni in Spagna.

La sorveglianza genetica consente non solo di identificare correttamente il virus ma anche di studiarne le mutazioni. **Gli studi finora condotti dall'IZSVE**

**indicano un'evoluzione solo parziale del virus che, per il momento, non è in grado di causare un contagio inter-umano.** Non si può escludere però che il virus in futuro possa acquisire caratteristiche tali da renderlo **trasmissibile da uomo a uomo**. Una delle armi più efficaci per individuare tempestivamente questa eventualità è la condivisione delle sequenze genetiche fra i membri della comunità scientifica, in modo da seguire l'evoluzione del virus nel tempo e nello spazio e capire se si verificano mutazioni che favoriscono la replicazione nei mammiferi.

### **I rischi per l'uomo**

Sebbene colpisca principalmente il pollame e gli uccelli selvatici, l'influenza aviaria può anche se solo occasionalmente essere trasmessa ai mammiferi, compreso l'uomo. **Dalla sua comparsa nel 1996 in un allevamento di oche in Cina, il virus H5N1 ha provocato casi di infezione anche tra gli esseri umani** in diversi Paesi del mondo, ma con una frequenza sporadica e in particolari condizioni. Ad oggi non sono stati rilevati casi di trasmissione inter-umana del virus H5N1.

**I virus aviari non sono in grado di contagiare con facilità l'uomo**, nella maggior parte dei casi le infezioni da H5N1 sono avvenute in persone a stretto contatto con volatili infetti in aree molto povere, in condizioni di forte promiscuità e scarsa igiene, senza un'opportuna consapevolezza della presenza della malattia e dei rischi ad essa associati. **Esistono categorie professionali più esposte al rischio, come allevatori avicoli, veterinari, macellatori, trasportatori.** Per questi soggetti, che potrebbero venire in contatto più frequentemente con uccelli infetti o morti di influenza aviaria, è previsto un monitoraggio sanitario in caso di epidemia ed è raccomandabile la vaccinazione contro l'influenza umana, come misura per prevenire fenomeni di ricombinazione genetica tra il virus stagionale umano e il virus dell'influenza aviaria.