

Ricerca corrente IZS VE 03/20

Norovirus nelle popolazione suina: sviluppo di metodi di identificazione e caratterizzazione per contrastare il rischio emergente di ricombinazione animale-uomo

Responsabile scientifico: Maria Serena Beato

La RC IZSve 12/15 sul Norovirus (NoV) suino ha generato nuove conoscenze che meritano un approfondimento per contrastarne il potenziale zoonosico. Il NoV è documentato in diverse specie animali terrestri e acquatiche ma sono ancora sconosciuti i possibili meccanismi e fattori di trasmissione tra animale-uomo a causa della scarsa attività di ricerca in ambito animale, al contrario di ciò che accade nel settore umano. Tale limite è emerso durante la precedente RC che ha evidenziato:

- la co-circolazione di 2 genotipi (GII.P11 e GII.P18) nella popolazione suina del Veneto;
- la presenza di gruppi genetici distinti all'interno di ogni genotipo;
- una prevalenza maggiore nei suini da ingrasso; l'obsolescenza ed inadeguatezza dei protocolli di identificazione dei NoV suini;
- la scarsità di sequenze di NoV suini depositate e l'inapplicabilità dei protocolli di NGS sviluppati per il settore umano ai NoV suini.

La disponibilità di protocolli efficienti per identificare e caratterizzare NoV nel serbatoio animale consentirebbe la produzione di dati necessari per la comprensione dei meccanismi e fattori di trasmissione animale-uomo e l'identificazione rapida di varianti ricombinanti con potenziale zoonosico.

Scopo del progetto è sviluppare protocolli per l'identificazione e la caratterizzazione di NoV suini e quindi tracciare varianti con potenziale zoonosico. Il suo raggiungimento colmerà la mancanza di strumenti tecnici nella caratterizzazione dei NoV suini e di conoscenza sul loro potenziale di ricombinazione e zoonosico. Saranno sviluppate metodologie per caratterizzare i NoV suini, consentendo il confronto con NoV umani e l'identificazione di eventi di ricombinazione con questi, che potrebbero preludere all'emergere di NoV con potenziale zoonosico.