



**I Riunione ENTER-VET
Legnaro, 17 dicembre 2014**

Metodi in uso per l'identificazione di *S.* 4,[5],12:i:-

Riepilogo metodi utilizzati dai laboratori

Lab 1

Riferimento: Lim et al., 2003

Target: *rfbJ* (O:4); *fljC* (H:i); *fljB* (1,2)

Esami: variabili ultimo anno 225

Validazione: Sì

Accreditamento: No

Riepilogo metodi utilizzati dai laboratori

Lab 2

Riferimento: metodo IZSve

Target: regione intergenica *fliB-fliA*; *fljB*

Esami: circa 30

Validazione: Sì

Accreditamento: No

Riepilogo metodi utilizzati dai laboratori

Lab 3

Riferimento: Lomonaco et al., (2009)

Target: *fljB*

Esami: circa 170

Validazione: No

Accreditamento: No

Riepilogo metodi utilizzati dai laboratori

Lab 4

Riferimento: Echeita et al, (1998)

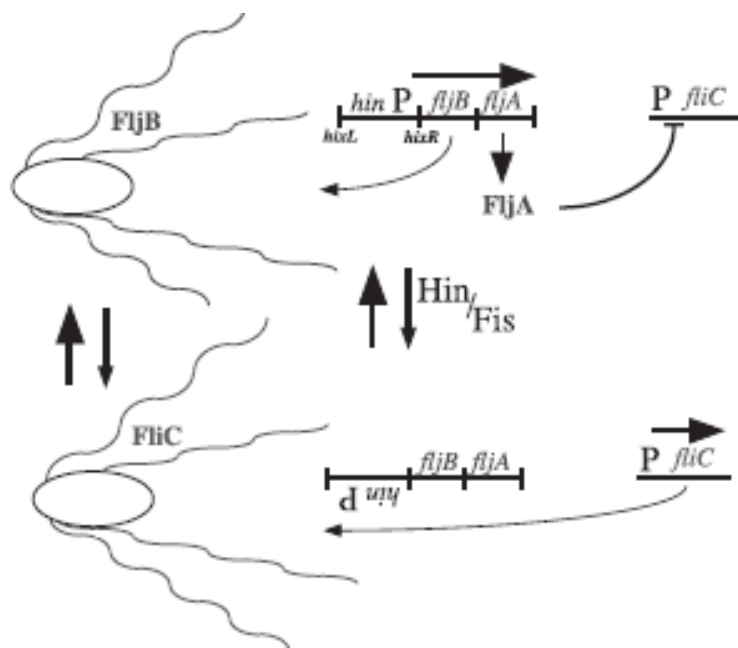
Target: *fljB*

Esami: circa 180

Validazione: No

Accreditamento: No

Espressione degli antigeni ciliari



Salmonella è mobile per la presenza di flagelli codificati da due geni differenti che vengono espressi in modo alternato:

- *fliC* per l'antigene ciliare di fase 1
- *fljB* per l'antigene ciliare di fase 2

Il prodotto di un terzo gene (*fljA*), localizzato nel medesimo operone di *fljB*, blocca l'espressione di *fliC*

L'inversione di fase è regolata attraverso una invertasi *hin*, che controlla l'espressione alternata della fase ciliare 1 e 2

S. 4,[5],12:i:- generalmente e' definita come monofasica per la mancanza del gene *fljB*.

In letteratura però vengono descritti con frequenza crescente isolati di *Salmonella* tipizzati fenotipicamente come *S.* 4,[5],12:i:-, sebbene il gene *fljB* fosse conservato (Soyer et al, 2009; Hopkins et al., 2010; Barco et al., 2011, Bugarel et al 2012a/b; Prendergast et al., 2013.....)

Questi ceppi sono definiti come "inconsistent variants" di *S.* Typhimurium



- ✓ *fljB* e' conservato ma mutato?
- ✓ Vi sono gli altri geni dell' operone *fljAB* coinvolti nell'espressione della 2 fase flagellare (*hin*, *fljA*)? Presentano mutazioni ?
- ✓

Esiti studio condotto da cri

	N° of strains	<i>fljA</i>	<i>fljB</i>	<i>hin</i>
Group 1*	9	x	x	-
Group 2**	5	Mutation (Ala 46 – Thr)	x	Mutation (Arg 140 – Leu)
Group 3***	6	x	x	x

Barco et al., 2014

Questi ceppi nel nostro caso rappresentavano circa il 2% dei ceppi di S. 4,[5],12:i:- identificati

In altri paesi europei sono state descritte frequenze ben più elevate (Bugarel et al., 2012; Boland et al., 2014)

